

SEXAGEM PRÉ-NATAL DE SUÍNOS DA RAÇA PIAU POR EXPRESSÃO DE GENES DO CROMOSSOMO Y

Guilherme Marques Rodrigues¹; Tânia Fernandes Martins²; Simone Eliza Facioni Guimarães³

¹Graduando na Universidade Federal de Viçosa - MG; ²Doutoranda na Universidade Federal de Viçosa - MG;

³Professora na Universidade Federal de Viçosa - MG

Palavras-chave: Determinação sexual, RNA-Seq, Transcriptômica.

Introdução

A determinação do sexo pré-natal é fundamental em estudos transcriptômicos, garantindo consistência nas análises. Em suínos Piau, uma raça naturalizada brasileira com importância zootécnica e para programas de conservação e melhoramento genético, a sexagem pode ser realizada pela detecção de transcritos do cromossomo Y via RNA-Seq, utilizados como marcadores específicos para machos.

Objetivos

Este trabalho teve como objetivo classificar o sexo de embriões e fetos da raça Piau por meio da expressão de genes específicos do cromossomo Y, utilizando dados de RNA-Seq.

Resultados e/ou Ações Desenvolvidas

RESUMO DOS MARCADORES MOLECULARES DE SEXAGEM

Gene / Marcador	Machos	Fêmeas
ΣCPM_{chrY}	Alto ●	Baixo ○
EIF2S3Y	Expresso ●	Não expresso ○
KDM5D	Expresso ●	Não expresso ○

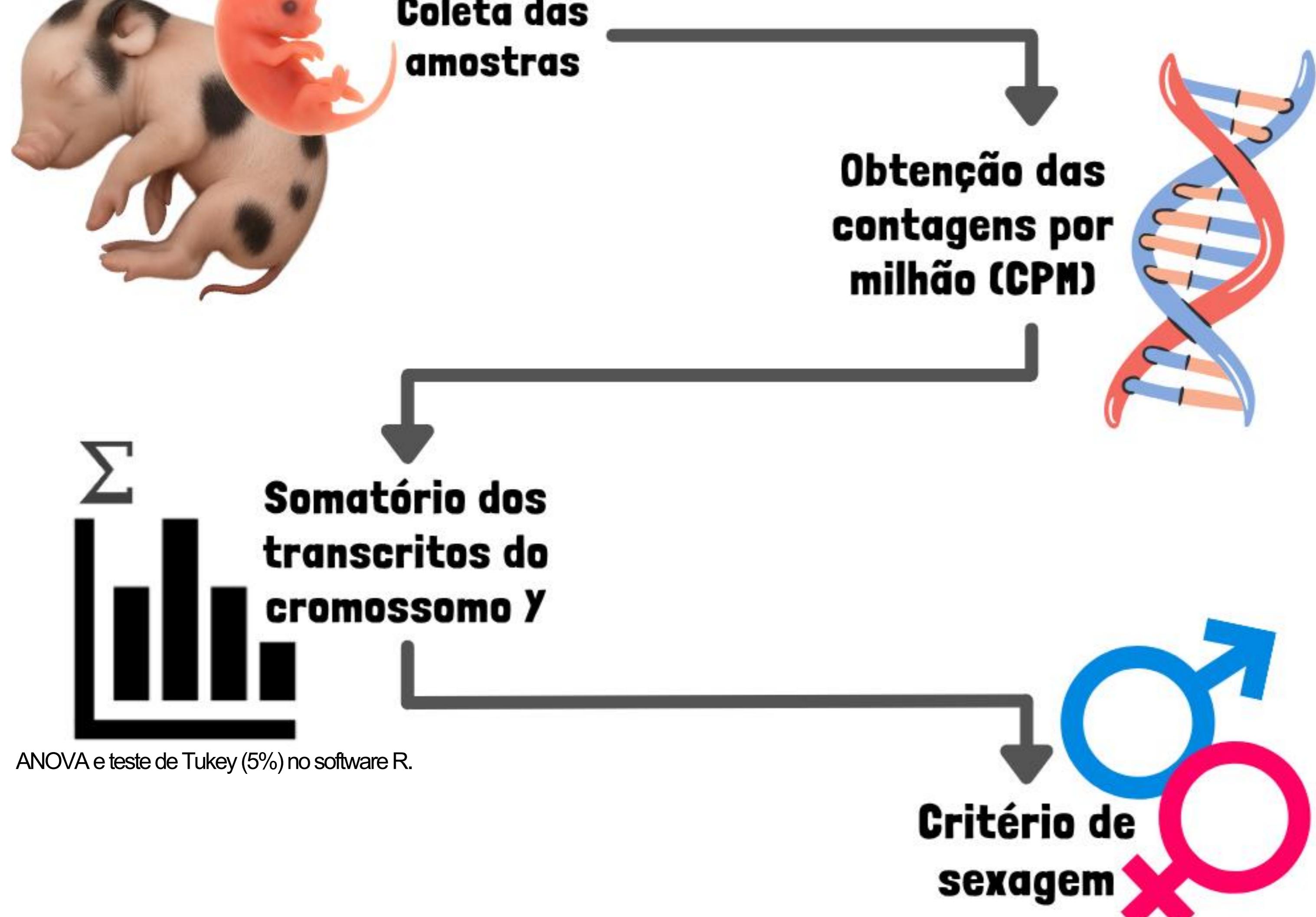


Figura 1. Fluxograma das etapas do processo de sexagem: coleta dos conceptos, análise de transcritos e classificação por sexo com base no ΣCPM_{chrY} .

Apoio Financeiro



Agradecimentos

A utilização da expressão de genes do cromossomo Y via RNA-Seq é uma ferramenta precisa e eficiente para a sexagem molecular de conceptos suínos. Essa estratégia mostra-se útil em estudos genômicos com raças como a Piau, que apresentam grande variabilidade genética e relevância zootécnica.

Conclusões

Figura 2. Tabela ilustrativa da expressão diferencial de transcritos associados ao cromossomo Y, destacando ΣCPM_{chrY} e os genes EIF2S3Y e KDM5D como marcadores sexuais consistentes em machos, enquanto ausentes ou com expressão residual em fêmeas.