

Simpósio de Integração Acadêmica

“Bicentenário da Independência: 200 anos de ciência, tecnologia e inovação no Brasil e 96 anos de contribuição da UFV”

SIA UFV 2022



Sequenciamento do plastoma das espécies *Tacinga braunii*, *Tacinga palmadora* e *Tacinga inamoena* para estudos genéticos e evolutivos na família Cactaceae

Rangel, I¹.; Rogalski, M².; Badia, C.C.V.³ - Departamento de Biologia Vegetal, UFV

¹ian.rangel@ufv.br; ²rogalski@ufv.br; ³clara.badia@ufv.br

Palavras chave: Genoma plastidial, Fisiologia molecular, Cloroplasto

Categoria: Pesquisa

Área temática: Genética Vegetal

Grande área: Ciências Biológicas

Introdução

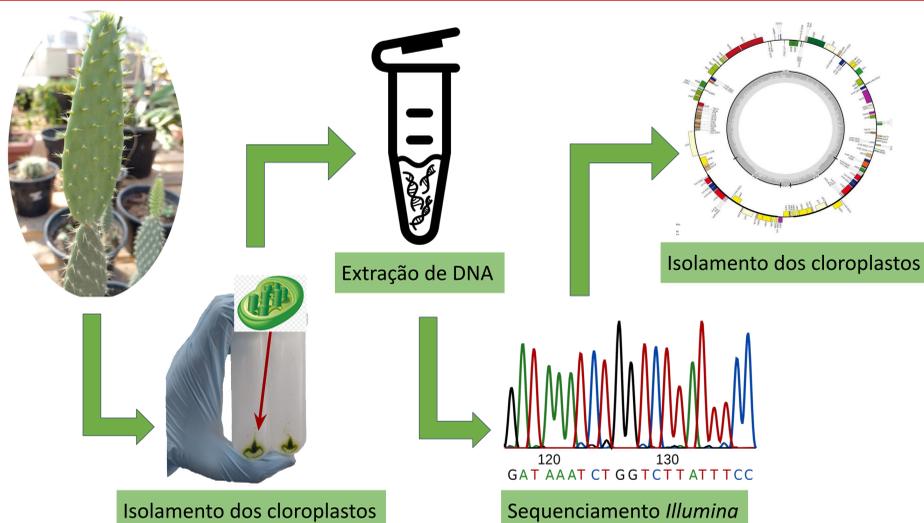
Cactaceae é uma das linhagens mais diversas em plantas, essa família possui cerca de 2000 spp., divididas em 4 subfamílias: Cactoideae, Opuntioideae, Maihuenioideae e “Pereskioideae”. *Cacti* possuem metabolismo CAM, folhas modificadas em espinhos, notável valor econômico e ecológico. Opuntioideae é caracterizada por possuírem cladódios achatados, gloquídios e um arilo rígido em volta do óvulo. *Tacinga* é um gênero dessa subfamília caracterizado por possuir frutos do tipo peras espinhosas, além de serem endêmicas do nordeste brasileiro e as únicas polinizadas por beija-flores.

Apesar da riqueza de espécies, essa família atualmente conta com apenas 59 plastomas disponíveis no banco de dados (ncbi), diante disso faz-se importante estudos genéticos acerca da família.

Objetivos

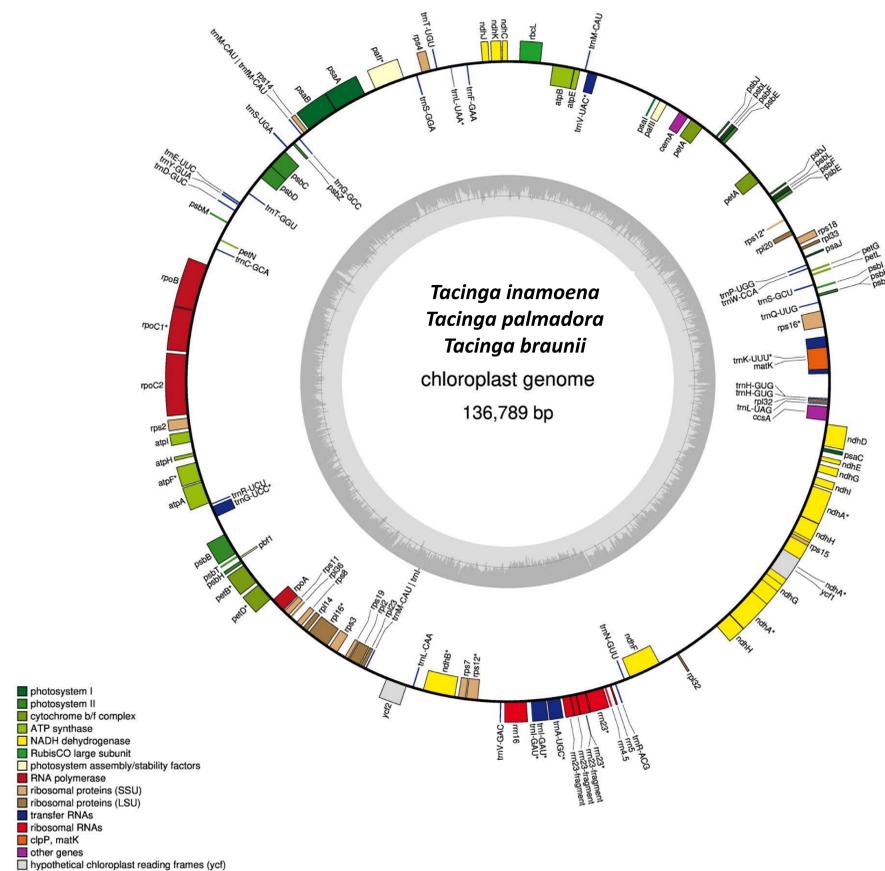
O presente trabalho tem como objetivo o sequenciamento, montagem e caracterização do plastoma das espécies *Tacinga inamoena* (K. Schum), *Tacinga palmadora* (Britton & Rose) N.P Taylor & Stuppy e *Tacinga braunii* Esteves.

Material e Métodos



Resultados e Discussão

T.braunii, *T. inamoena*, *T. palmadora*, possuem genoma com aproximadamente 130 kb.



Espécie	Tamanho (bp)
<i>Tacinga braunii</i>	122,460
<i>Tacinga inamoena</i>	136,789
<i>Tacinga palmadora</i>	120,821
<i>Opuntia quimilo</i>	150,374
<i>Opuntia microdasys</i>	123,169

Conclusões

Os plastomas do gênero *Tacinga* aqui sequenciados se apresentam bastante conservados quando comparados dentro da subfamília Opuntioideae.

Apoio Financeiro

