



## Seleção de linhagens superiores de soja para alta produção de grãos via modelos mistos

Gabriel Cerpa da Luz<sup>1</sup>; Martha Freire da Silva<sup>2\*</sup>; Vander Sampaio Moreira Filho<sup>1</sup>; Otávio Augusto Resende Oliveira<sup>1</sup>; Pedro Gomes de Matos<sup>1</sup>; João Marcos Soares Ferreira<sup>1</sup>

[Gabrielcerpa.gc@gmail.com](mailto:Gabrielcerpa.gc@gmail.com); [mfsilva3@uem.br](mailto:mfsilva3@uem.br); [joao.m.ferreira@ufv.br](mailto:joao.m.ferreira@ufv.br)

Palavras-chave: Rendimentos de grãos, *Glycine max*, REML, BLUP, Ganho de seleção

<sup>1</sup>Programa Soja – Departamento de Agronomia - Universidade Federal de Viçosa; <sup>2</sup>Universidade Estadual de Maringá  
Agronomia – Ciências Agrárias – Pesquisa.

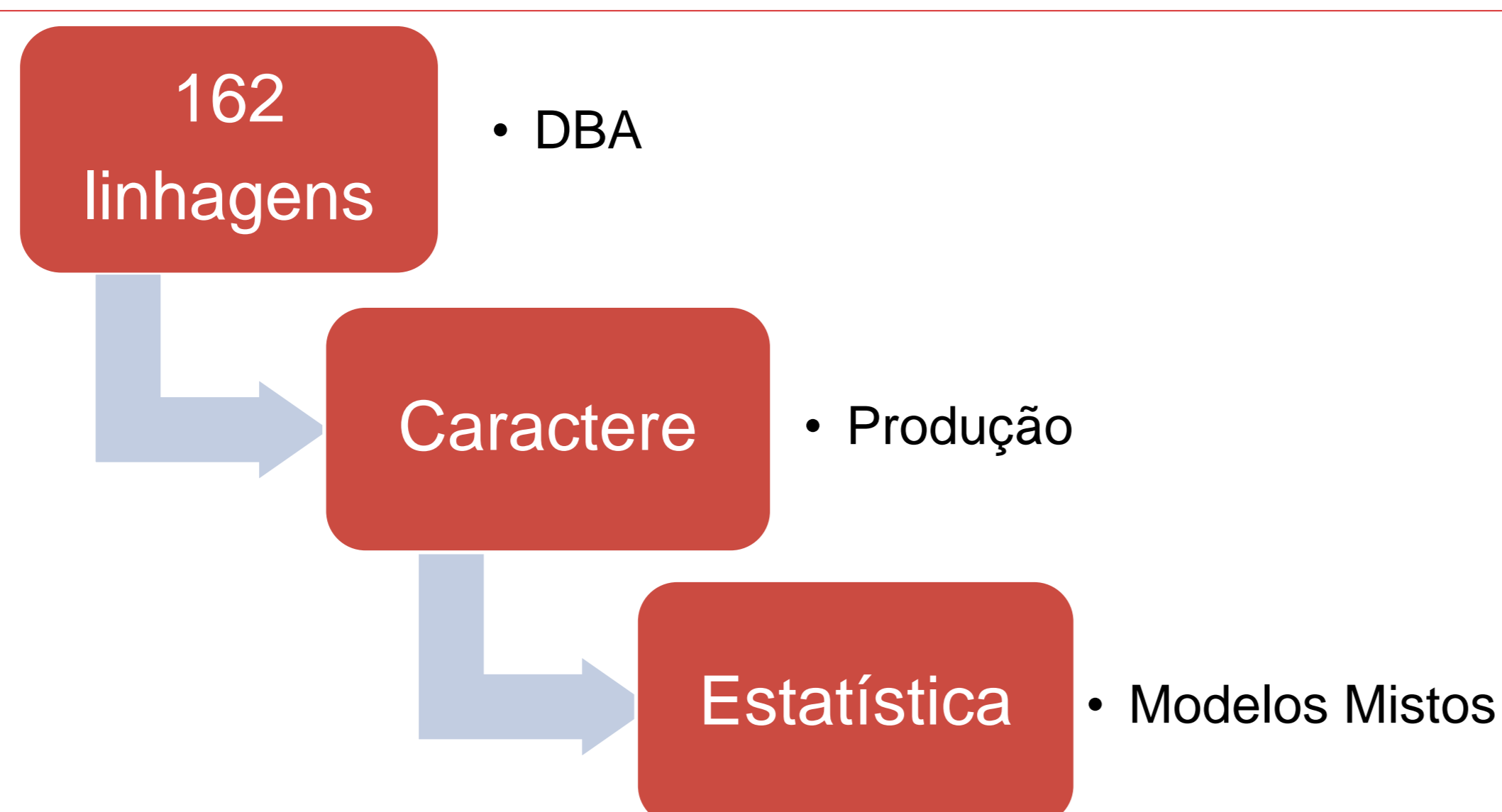
### Introdução

A soja (*Glycine max* L.) é uma das principais oleaginosas cultivadas no mundo. Os seus grãos são considerados importante fonte de óleo e proteína, sendo utilizados tanto para a indústria alimentícia, com a produção de farelo para o consumo animal e de soja in natura e seus derivados para o consumo humano. Devido ao seu diversificado uso e renomada relevância, a obtenção de altas produtividades tem sido foco dos produtores.

### Objetivos

Assim, este trabalho teve por objetivo a seleção de linhagens de soja com alto potencial para produtividade de grãos, utilizando-se da metodologia de modelos mistos, a fim de compor uma população base de um programa de seleção recorrente.

### Material e Métodos



### Apoio Financeiro



### Resultados e Discussão

Tabela 1: Análise de Deviance ANADEV (\*\* Significativo a 10% pelo  $\chi^2$ )

Modelo completo	Modelo reduzido	LRT	$\sigma^2$
6273,47	6281,02	7,55**	463137,2**

Tabela 2: Médias e componentes genotípicos para produtividade

Vg (Variância genotípica)	535625,31
Vf (Variância fenotípica)	3082630,76
h <sup>2</sup> g sentido amplo (%)	17,37
Média Geral (Kg ha <sup>-1</sup> )	4097,65
Média Seleccionados (Kg ha <sup>-1</sup> )	4791,78
Ganho de seleção (%)	2,98

### Conclusões

Conclui-se que os genótipos selecionados apresentam potencial para compor uma população base de um programa de melhoramento com foco em produtividade.

### Bibliografia

CRUZ, C. D.; REGAZZI, A. J.; CARNEIRO, P. C. S. **Modelos Biométricos Aplicados ao Melhoramento Genético** - ISBN 9788572694339. 4. ed. Viçosa, MG: Editora UFV, 2012. v. 1. 514p.  
SEDIYAMA, T.; SILVA, F.; BORÉM, A. **Soja: do plantio a colheita**. Viçosa. Editora UFV, 2015. 333 p.  
RESENDE, M. D. V. **Software SELEGEN-REML/BLUP: sistema estatístico e seleção computadorizada via modelos lineares mistos**. Colombo: Embrapa Florestas, 2007b.