



## ESTIMAÇÃO DE PARÂMETROS GENÉTICOS DE LINHAGENS DE SOJA AVALIADAS NA REGIÃO DO TRIÂNGULO MINEIRO

Vander Sampaio Moreira Filho<sup>1</sup>; Felipe Lopes da Silva<sup>2\*</sup>; Lucas Barbosa de Castro Rosmaninho<sup>3</sup>; Alícia Ruiz do Rêgo Barros Veiga<sup>1</sup>; Jean Faria Martiniano<sup>1</sup>; Anderson Lopes Santos<sup>1</sup>

[vander.filho@ufv.br](mailto:vander.filho@ufv.br); [felipe.silva@ufv.br](mailto:felipe.silva@ufv.br); [lucas.rosmaninho@ufv.br](mailto:lucas.rosmaninho@ufv.br)

<sup>1</sup>Estudante de Graduação em Agronomia - UFV/Viçosa-MG. <sup>2</sup>Professor do Departamento de Agronomia - UFV/Viçosa-MG; <sup>3</sup>Doutorando em Genética e Melhoramento - UFV/Viçosa-MG.

Palavras-chave: *Glycine max*, herdabilidade, variabilidade genética

Agronomia – Ciências Agrárias - Pesquisa

### Introdução

- A soja (*Glycine max* (L.) Merrill) é a cultura de maior importância econômica no cenário brasileiro de produção de grãos. De acordo com levantamentos feitos pela Companhia Nacional de Abastecimento (CONAB), o país atingiu na safra 2020/2021 uma produtividade média de 3.517 kg/ha, o que se deve em grande parte ao sucesso do melhoramento genético da cultura ao longo dos anos.
- Os ganhos genéticos obtidos por programas de melhoramento, são de fundamental importância para o desenvolvimento de novas cultivares, com maiores potenciais produtivos.

### Objetivos

- O objetivo do presente trabalho foi estimar os parâmetros genéticos de linhagens de soja desenvolvidas pelo Programa Soja - UFV e avaliadas na região do triângulo mineiro.

### Material e Métodos

- Avaliou-se o desempenho de 126 linhagens F<sub>4:6</sub> no Centro de Experimentação, Pesquisa e Extensão do Triângulo Mineiro/UFV (CEPET-UFV), localizado em Capinópolis, MG, durante a safra 2020/2021.
- O delineamento experimental utilizado foi o de blocos aumentados, sendo utilizadas 07 cultivares comerciais como testemunhas.
- Foram avaliados os seguintes caracteres: Altura de planta na maturação (AltMAT, cm), produção total (PROD, g) e peso de mil sementes (PMS, g).
- As análises de variância e as estimativas de parâmetros genéticos de cada variável foram processadas com o auxílio do software GENES.

### Agradecimentos

Agradecimento pelo apoio financeiro das instituições Capes, Fapemig e CNPq. E também pelo auxílio recebido da Universidade Federal de Viçosa e da equipe do Programa Soja - UFV para a realização desse experimento.

### Resultados e Discussão

**Tabela 1.** Resumo da análise de variância para os caracteres altura de planta na maturação (AltMAT, cm), produção total de grãos (PROD, g) e peso de mil sementes (PMS, g)

Fontes de Variação	GL	Quadrados-Médios		
		AltMAT	PROD	PMS
Bloco	3	0.5272	273780.23	14278.94
Tratamento	132	0.0537**	27439.81 <sup>ns</sup>	368.82**
Resíduo	18	0.0092	20442.00	81.77
<b>Total</b>	<b>153</b>	<b>0.0578</b>	<b>31446.74</b>	<b>607.80</b>
Média	–	0.8486	419.97	142.56
CV(%)	–	11.32	34.04	6.34

\*\* Significativo pelo teste F, ao nível de 1% de probabilidade.

**Tabela 2.** Estimativas de parâmetros genéticos para os caracteres altura de planta na maturação (AltMAT, cm), produção total de grãos (PROD, g) e peso de mil sementes (PMS, g)

Estimativas	AltMAT	PROD	PMS
$\sigma_f^2$	0.067	31136.49	670.11
$\sigma_e^2$	0.009	20442.00	81.77
$\sigma_g^2$	0.058	34.34	588.35
$h_m^2$	0.86	34.34	87.79
$CV_g$	28.61	2.678	17.32
$CV_g/CV_e$	2.51	0.72	2.68

$\sigma_f^2$ : variância fenotípica média;  $\sigma_e^2$ : variância ambiental média;  $\sigma_g^2$ : variância genotípica média;  $h_m^2$ : coeficiente de herdabilidade em nível de média de genótipos;  $CV_g$ : coeficiente de variação genotípica;  $CV_g/CV_e$ : razão entre o coeficiente de variação genotípica e o coeficiente de variação ambiental

### Conclusões

- As linhagens avaliadas apresentam potencial para o melhoramento da cultura e que os caracteres AltMAT e PMS são favoráveis para a seleção de linhagens de soja promissoras.

### Apoio Financeiro