



Simpósio de Integração Acadêmica

Inteligência Artificial: A Nova Fronteira da Ciência Brasileira
SIA UFV Virtual 2020



ESTIMATIVAS DE PARÂMETROS GENÉTICOS EM PROGÊNIES DE MEIOS IRMÃOS DE *Mabea fistulifera* (Mart.)

Universidade Federal de Viçosa

Kaio Costa Carvalho¹; Gleidson Guilherme Caldas Mendes²; Glêison Augusto dos Santos³; Helen dos Reis Rezende⁴; Mateus Lanna Ferreira da Silva⁵; Juliana Neves Pinheiro de Souza⁶

¹Graduando em Engenharia Florestal; ²Doutorando em Ciências Florestais; ³Professor DEF/UFV; ⁴Graduando em Engenharia Florestal; ⁵Graduando em Engenharia Florestal; ⁶Graduando em Engenharia Florestal

Caracteres quantitativos; herdabilidade; teste de progênie.

Introdução

A conservação genética de espécies arbóreas é fundamental para que as futuras gerações possam usufruir dos recursos hoje disponíveis. Contudo, a manutenção de populações em bancos de germoplasma *ex situ* não garante por si só a conservação dessas espécies. Uma estratégia viável é a transformação de testes de progênies em pomares de sementes, uma vez que tais testes permitem a estimação da variação existente dentro de populações, por meio de características quantitativas, assim como a seleção de indivíduos superiores e divergentes, eliminando possíveis indivíduos aparentados, o que proporcionará sementes com maior variabilidade genética.

Objetivos

Estimar os parâmetros genéticos quantitativos em um teste de progênies de canudo-de-pito (*Mabea fistulifera* Mart.) e selecionar indivíduos para a formação de pomar de sementes por mudas.

Material e Métodos

O teste de progênie foi instalado em abril de 2014 no município de Santana de Cataguases, em Minas Gerais.

O delineamento experimental utilizado foi o de blocos casualizados, com 10 repetições, 16 progênies, e parcelas de planta única, obedecendo ao arranjo espacial de 5,0 x 5,0 m. Aos 42 meses de idade foram realizadas mensurações de diâmetro a altura do peito (DAP), altura total (ALT) e sobrevivência (SOB). As estimativas dos parâmetros genéticos foram realizadas com o auxílio do programa Selegen-REML/BLUP (modelo 19).

Resultados e Discussão

A taxa de sobrevivência foi de 56,30% demonstrando boa adaptação do material às condições edafoclimáticas do local. As herdabilidade nos sentidos restritos (h^2_a) e herdabilidade da média das progênies (h^2_{mp}) foram de baixa a média magnitude, com valores de 0,259, 0,002 e 0,004 para h^2_a e 0,268, 0,004 e 0,008 para h^2_{mp} , respectivamente, para os caracteres ALT, DAP e SOB.

Conclusões

Tais resultados indicam a existência de baixo a moderado controle genético para os caracteres avaliados, resultando em possibilidade de obter-se ganhos com a seleção. Há possibilidade de algum progresso genético com a seleção entre genótipos, sobretudo para o caráter DAP, especialmente as progênies das famílias 05, 09 e 10, as quais apresentaram os maiores valores genéticos.

Apoio Financeiro e Agradecimentos



Bibliografia

MENDES, G. G. C. Análises genéticas, enxertia e formação de pomar de cruzamentos em vasos com espécies arbóreas nativas do Brasil. Viçosa, MG, 2019.